

BAB V

KESIMPULAN DAN SARAN

A. Kesimpulan

Total daerah sikuen DNA parsial gen TYRP1 ikan gurame yang di dapat adalah 525 pb yang terkonservasi atas daerah *exon* sepanjang 489 pb dan daerah *intron* sepanjang 36 pb hasil pensejajaran sikuen hasil *sequencing*. Konstruksi pohon filogenetik gen TYRP1 dirancang dari sikuen nukleotida daerah CDS dan asam amino hasil *translate* sikuen nukleotida daerah CDS dan di dapatkan hasil bahwa gen TYRP1 pada ikan gurame berkelompok dengan kelompok ikan lainnya dalam *ingroup*. Hal tersebut menunjukkan bahwa, *primer degenerate* hasil perancangan dari sikuen sekerabat ikan *infraclass Teleostei* mampu mengamplifikasi dengan baik gen TYRP1 pada DNA genom ikan gurame.

B. Saran

Perlu dilakukan analisa lebih lanjut mengenai penentuan sikuen DNA gen TYRP1 pada ikan gurame yang terkonservasi atas daerah *exon* dan *intron*, agar di dapat sikuen DNA gen TYRP1 utuh atau *full genome*. Primer spesifik yang telah dirancang guna mengamplifikasi gen TYRP1 pada ikan gurame perlu dilakukan validasi pada stok *cDNA* dan DNA genom ikan gurame dengan metode *Real Time PCR* (RT-PCR) untuk mengetahui keberhasilan primer spesifik dalam mengamplifikasi gen TYRP1 pada ikan gurame.