

BAB V

SIMPULAN DAN REKOMENDASI

5.1 Simpulan

Berdasarkan hasil analisis serta pertanyaan penelitian, maka dapat disimpulkan bahwa:

1. Sekuens gen HSP70 ayam kate memiliki urutan sekuens yang identik $\geq 97\%$ dengan sekuens gen HSP70 *Gallus gallus* di GeneBank.
2. Pada daerah analisis *coding* ditemukan 13 situs polimorfik gen HSP70 yaitu mutasi 258A>G, mutasi 276C>G, mutasi 421G>C, mutasi 425C>A, mutasi 501G>C, mutasi 693A>G, mutasi 717C>A, mutasi 728G>A, mutasi 748G>C, mutasi 767A>T, mutasi 821G>A, mutasi 1044G>A dan mutasi 1748C>G. Pada daerah 3'UTR ditemukan dua situs polimorfik gen HSP70 yaitu, mutasi 2194T>A, dan mutasi 2195A>T.

5.5 Implikasi

Hasil penelitian ini dapat memberikan informasi dan melengkapi database gen HSP70 ayam lokal Indonesia di GenBank, mengenai polimorfisme gen HSP70 ayam kate yang resisten terhadap cekaman panas, sehingga dapat diasosiasikan dengan sifat morfologi ayam.

5.3 Rekomendasi

Rekomendasi yang dapat disampaikan pada penelitian ini yaitu dapat melanjutkan analisis *sequencing* dengan menggunakan sampel ayam lokal indonesia hasil seleksi ayam yang resisten terhadap cekaman panas, serta memvalidasi pada peternak ayam kate dengan pemberian cekaman panas untuk diasosiasikan dengan sifat morfologi ayam seperti ukuran tubuh, bobot badan, produksi telur, dan daya tahan terhadap penyakit.